FERAGEN
Genetic Veterinary Laboratory

DNA-Analyseergebnisse

Habibi

Ai-Hayati's Asrar

HUNDEDATEN

Testkit-Nr.:	AA844519	**Besitzer:**	Raphaela Wodl
Rufname:	Habibi	**Chip.-Nr.:**	040097200055802
Name:	Ai-Hayati's Asrar	**ZB-Nummer:**	
Rasse:	Basenji	**Probenmaterial:**	Mundschleimhaut
Geschlecht:	Hündin		
Wurftag:	07.01.2026		

Probennahme erfolgt durch: **Veterinär**
Tierärztin Mag. Eike Both

Mögliche Ergebnisse

FREI (clear)

Das Testergebnis „frei“ bedeutet, dass der untersuchte Hund KEINE Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt.

TRÄGER (carrier)

Das Testergebnis „Träger“ bedeutet, dass der untersuchte Hund EINE Kopie der Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt. Der untersuchte Hund muss aber keine klinischen Symptome aufgrund dieser Mutation entwickeln, da meist zwei Kopien einer Mutation für einen Ausbruch einer Erkrankung notwendig sind.

GEFÄHRDET (at risk)

Das Testergebnis „gefährdet“ bedeutet, dass der untersuchte Hund EINE oder ZWEI Kopien der Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt. Abhängig von der Art der Vererbung einer spezifischen genetischen Erkrankung sind eine oder zwei Mutationen für einen Ausbruch dieser Erkrankung notwendig.

KEIN ERGEBNIS

Das Testergebnis „Kein Ergebnis“ deutet darauf hin, dass im Zuge der Analysen kein Ergebnis für eine spezifische Krankheit / Eigenschaft Ihres Hundes ermittelt werden konnte. Das bedeutet nicht, dass Ihr Hund ein Träger oder gefährdet für diese Erkrankung ist. Es gibt verschiedene Gründe, warum ein bestimmter Test fehlschlagen kann. Das können einzigartige Variationen in bestimmten Regionen in der DNA sein, die dazu führen, dass ein Test nicht erfolgreich abgeschlossen werden kann und somit kein Ergebnis liefert. Es kann auch sein, dass bei der Entnahme der Mundschleimhautprobe zu wenige Zellen haften blieben und so zu wenig Material für die Analyse vorhanden war. Auch Bakterien oder Pilze, die sich bei nicht ausreichender Trocknung der Bürstchen auf diesen vermehren können, können sich negativ auf die Analysequalität auswirken. Ergebnisse mit mindestens 90% erfolgreichen Analysen werden als akzeptabel angesehen. Sollte Ihr Hund eine nicht akzeptable Zahl von ausgefallenen Resultaten zeigen, werden wir Sie für die Zusendung von neuem Probenmaterial kontaktieren

NICHT GETESTET

Zu dieser Erkrankung liegen keine Testergebnisse vor oder diese sind in der durchgeführten Analyse nicht enthalten. Patentgeschützte Erkrankungen können als Zusatzoption ergänzt werden und sind nicht Teil des regulären DogCheck.

*EXTERNE LABORDATEN

Dieses Analyseergebnis wurde von einem externen Labor übermittelt und stammt nicht von FERAGEN. Bitte beachten Sie, dass wir die Richtigkeit oder Genauigkeit der extern bereitgestellten Daten nicht garantieren oder verifizieren können. FERAGEN übernimmt daher keine Verantwortung für den Inhalt oder eventuelle Fehler in diesem Ergebnis.

Wichtig: Erkrankungen mit angegebenen Rassen in Klammern, wurden ursprünglich in dieser Rasse identifiziert. Meist sind diese Erkrankungen ausschließlich für die genannte Rasse relevant. Rasserelevante Erkrankungen werden in der Kategorie „Rassespezifisch“ gelistet.

FERAGEN
Genetic Veterinary Laboratory

Rassespezifische Erkrankungen

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Fanconi Syndrom (Basenji) -	WT/WT	Frei
Pyruvatkinasedefizienz (Basenji Typ) - PKDef	WT/WT	Frei
Spongiöse Degeneration mit zerebellarer Ataxie 1 (Jack Russell Terrier) - SDCA1	WT/WT	Frei

FERAGEN
Genetic Veterinary Laboratory

Rassespezifische Fellfarben und Fellbeschaffenheiten

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
A-Lokus - ay, aw, at, a	Ay/at	Zobel /fawn (Träger von Black and Tan)
B-Lokus - bc, bd, bs	B/B	Schwarzes Fell, Nase und Fußballen (kein Träger von Braun)
D-Lokus d1 Farbverdünnung (Standard Variante) - d1-Loc	D/D	Keine Farbverdünnung
E-Lokus e1 Rezessives Rot - e1-Loc	E/E	K-Lokus Ausprägung erlaubt
K-Lokus Dominantes Schwarz - K-Loc	KB/ky	Dominant Schwarz (Träger von A-Lokus Ausprägung erlaubt)



Dr. rer. nat. A.M. Geretschläger

Die Genauigkeit und Präzision des Tests wurden vom Labor genauestens überprüft. Da alle durchgeführten Analysen DNA-basiert sind, können in seltenen Fällen seltene genomische Variationen die Analysen beeinflussen und zu abweichenden/falschen Ergebnisse führen. Sollten Sie der Meinung sein, dass bei den Ergebnissen ein Fehler vorliegt, wenden Sie sich bitte für eine weitere Evaluierung umgehend an unser Labor.